

Contributors to this Issue

Aebi J. D.	1727	Furuta Y.	1723
Arai M.	1705	Gardner D. S.	1785
Ayer M. B.	1751	Girijavallabhan V. M.	1739
Baglioni P.	1731	Gluchowski C.	1767
Blundell P.	1739	Gluchowski C.	1771
Boissard C. G.	1779	Gómez de las Heras F.	1697
Borthwick A. D.	1719	Gorey-Feret L. J.	1763
Bueno J. M.	1697	Gregory L.	1751
Bultel-Poncé V.	1715	Gribkoff V. K.	1779
Cacciapuoti A.	1739	Guyot M.	1715
CaJacob C. A.	1743	Guzik H.	1739
Caminati G.	1731	Haley T. M.	1719
Carlson E. J.	1759	Harasaki T.	1705
Castro J. L.	1755	Hegde S. G.	1743
Castro J. L.	1759	Hewawasam P.	1779
Chakravarty P. K.	1751	Higurashi K.	1747
Chelli M.	1731	Hollingworth G. J.	1755
Chicchi G. G.	1755	Hollingworth G. J.	1759
Chicchi G. G.	1759	Huang J.-L.	1709
Chicharro J.	1697	Huss S.	1697
Chott R. C.	1743	Ishibashi A.	1747
Collantes E. M.	1743	Islam I.	1767
Colletti S. L.	1751	Jackson D. L.	1719
Cooper L. C.	1755	Jain M.	1701
Cooper L. C.	1759	Jain R.	1701
Covington M.	1785	Johnson K. M.	1775
Daetwyler S.	1727	Kaku Y.	1747
Davies P.	1785	Kamal A.	1735
Decicco C. P.	1785	Kaneko S.	1705
Dehmlow H.	1727	Kaur N.	1701
DeLucca G. V.	1785	Kitas E. A.	1727
Dhanoa D.	1767	Knipe J.	1779
Di Salvo J.	1759	Ko S. S.	1785
Dinnell K.	1755	Kobayashi K.	1723
Dinnell K.	1759	Kobayashi N.	1747
Du P.	1767	Konosu T.	1705
Duncia J. V.	1785	Kurtz M. M.	1755
Elliott J. M.	1755	Kurtz M. M.	1759
Elliott J. M.	1759	Li C.	1751
Enyedy I. J.	1775	Lin Y.-L.	1709
Estrella M.	1785	Liu H.-G.	1709
Etahiri S.	1715	Loebenberg D.	1739
Exall A. M.	1719	Löffler B.-M.	1727
Fan W.	1779	Loida P. J.	1743
Fiandor J. M.	1697	Lovey R. G.	1739
Finn J.	1767	Mason A. M.	1719
Finn J.	1771	Meinke P. T.	1751
Fisher M. H.	1751	Moon S. L.	1779
Friedman S. M.	1785	Mosier P. D.	1743
Fukuoka T.	1705	Murphy P. V.	1763

Cover Photograph, *Bioorganic & Medicinal Chemistry Letters*

2002: Representation of the inhibitor celecoxib in the active site of the COX-2 enzyme. The model has been derived from the 1cx2 crystal structure via docking and force-field calculations [Price, M. L. P.; Jorgensen, W. L. *J. Am. Chem. Soc.* **2000**, *122*, 9455–9466]. Monte Carlo simulations have then been used to develop a computational model to reproduce the observed activities of 45 celecoxib analogues [Wesolowski, S. S.; Jorgensen, W. L. *Bioorg. Med. Chem. Lett.* **2002**, *12*, 267]. In the illustration, the shading reflects the distance between atoms of the inhibitor and the protein: the more red, the shorter the distance. The deep red region near the sulfonamide group includes residues H/R 513 and I/V 523, which provide the primary differences between the COX-1 and COX-2 binding sites. The figure was prepared using the Sybyl program by Dr. Erin M. Duffy.

Newton R. C.	1785	Starrett J. E., Jr.	1779
Nishida Y.	1723	Stowell N. C.	1785
Nuti F.	1731	Swain C. J.	1755
O'Brien J. L.	1763	Swain C. J.	1759
Ok D.	1751	Tanabe K.	1785
Okamoto Y.	1747	Tanaka H.	1723
Papini A. M.	1731	Trainor G. L.	1785
Parmegiani R. M.	1739	Tsao K.-L.	1755
Pelham D.	1771	Tsao K.-L.	1759
Peroni E.	1731	Uchida T.	1705
Profeta S.	1743	Vangapandu S.	1701
Ridgill M. P.	1755	Varnes J. G.	1785
Ridgill M. P.	1759	Wacker D. A.	1785
Rycroft W.	1755	Wadman E. A.	1785
Rycroft W.	1759	Walker M. W.	1767
Saksena A. K.	1739	Walker M. W.	1771
Salon J. A.	1767	Wang J.	1775
Salva S.	1751	Wang S.	1775
Sandbhor M.	1735	Watson P. S.	1785
Santella J. B., III	1785	Weingarten G. G.	1719
Schmatz D. M.	1751	Welch P. K.	1785
Schweitzer B. A.	1743	Wu C.-S.	1709
Shaw D. E.	1755	Wyvrat M. J.	1751
Shih T. L.	1751	Yamauchi T.	1747
Shoop W. L.	1751	Yang D.-Y.	1709
Singh P. P.	1701	Yang L.	1755
Singh S.	1701	Zakson-Aiken M.	1751
Smith A. B., III	1763	Zaman W. A.	1775
Solomon K. A.	1785	Zhang J.	1767